



# Valorisation moléculaire des collections du CBGP

Julien Haran

*AG plateau collections 20 Janvier 2022*



**1- Barcoding**

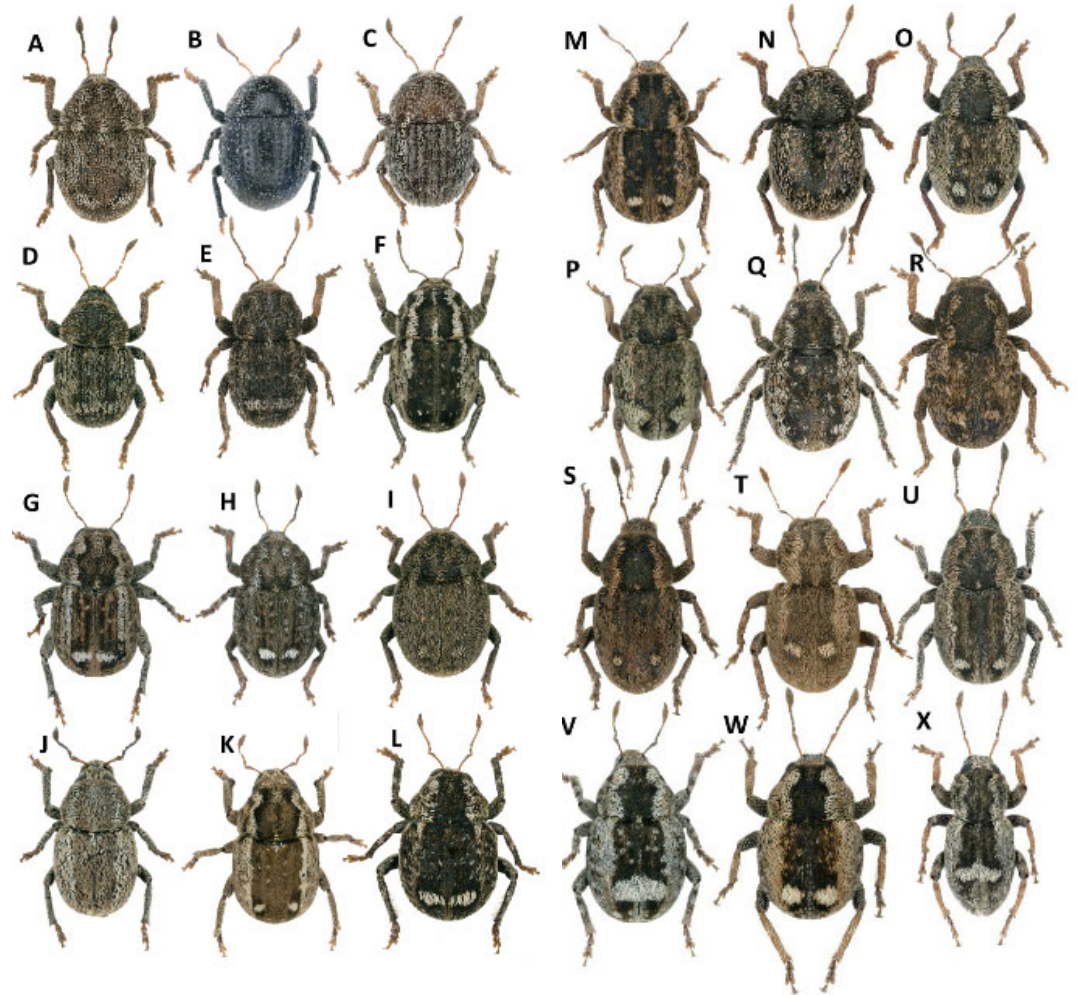
**2- UCE - Phylogénomique**

# 1- *Barcoding*

Identification spécifique

Complexes d'espèces

Réseau trophique /  
Contenu digestif



# 1- Barcoding

## Les collections CBGP-CIRAD (G. Delvare)

- Hyménoptères parasitoïdes
- Spécimens de petite taille
- Séchage étuve
- 1974-2014

### Echantillonnage

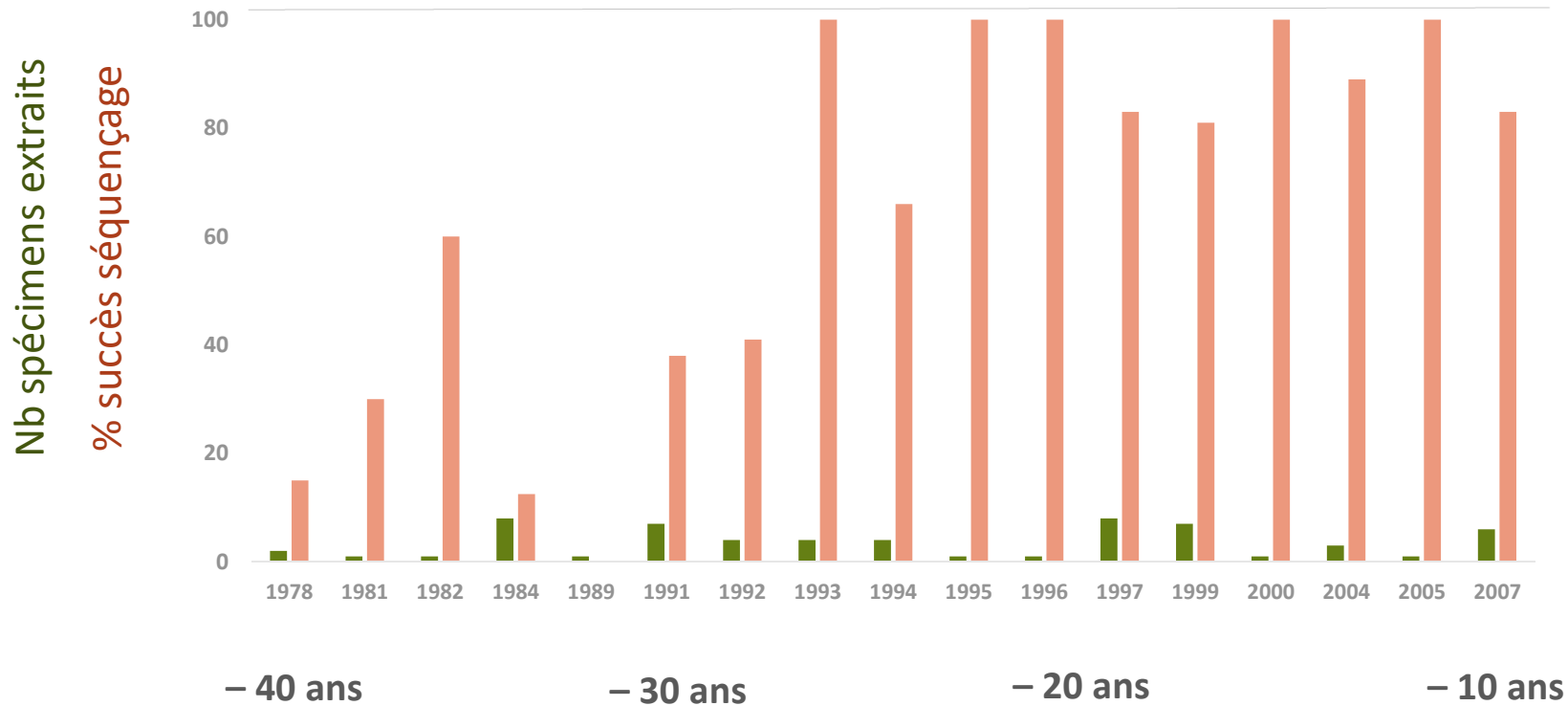
- 80 espèces
- 200 spécimens
- *COI* (standard barcode)- FC/BR primers  
« Shokralla (325+418 pb) »
- *Minibarcodes* (133 pb)
- *Cyt b* (445 pb)

Sequençage Miseq



# 1- Barcoding

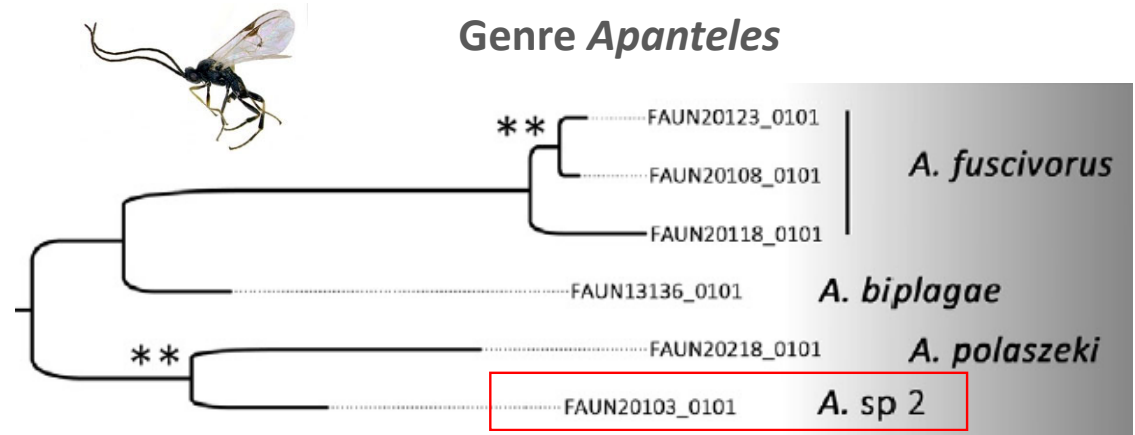
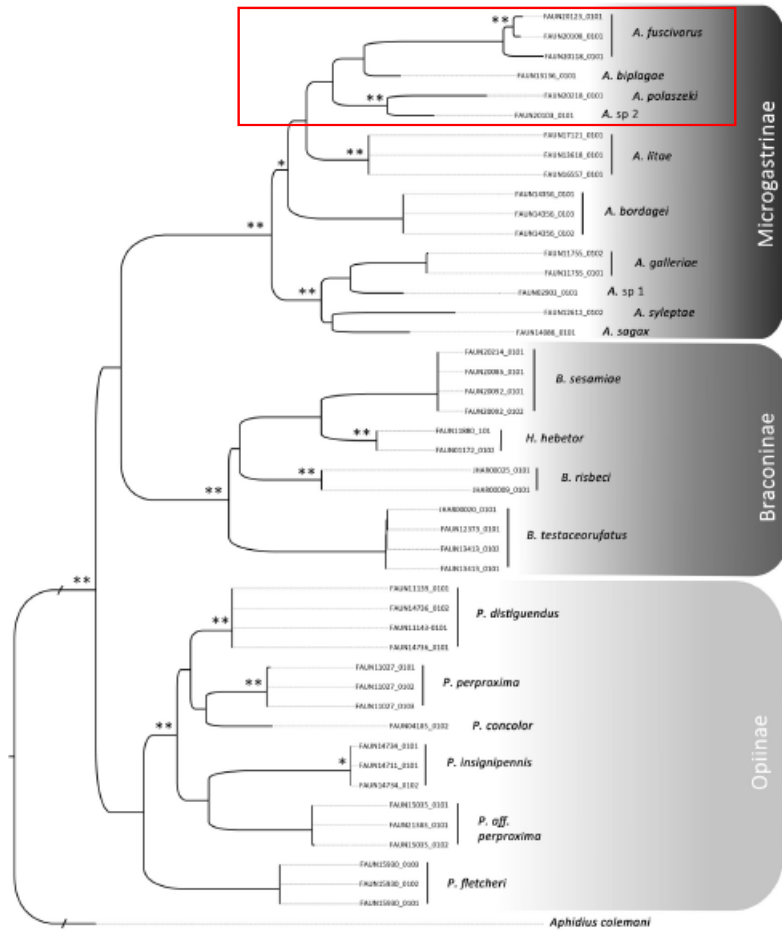
Nb specimens & % succès séquençage / date



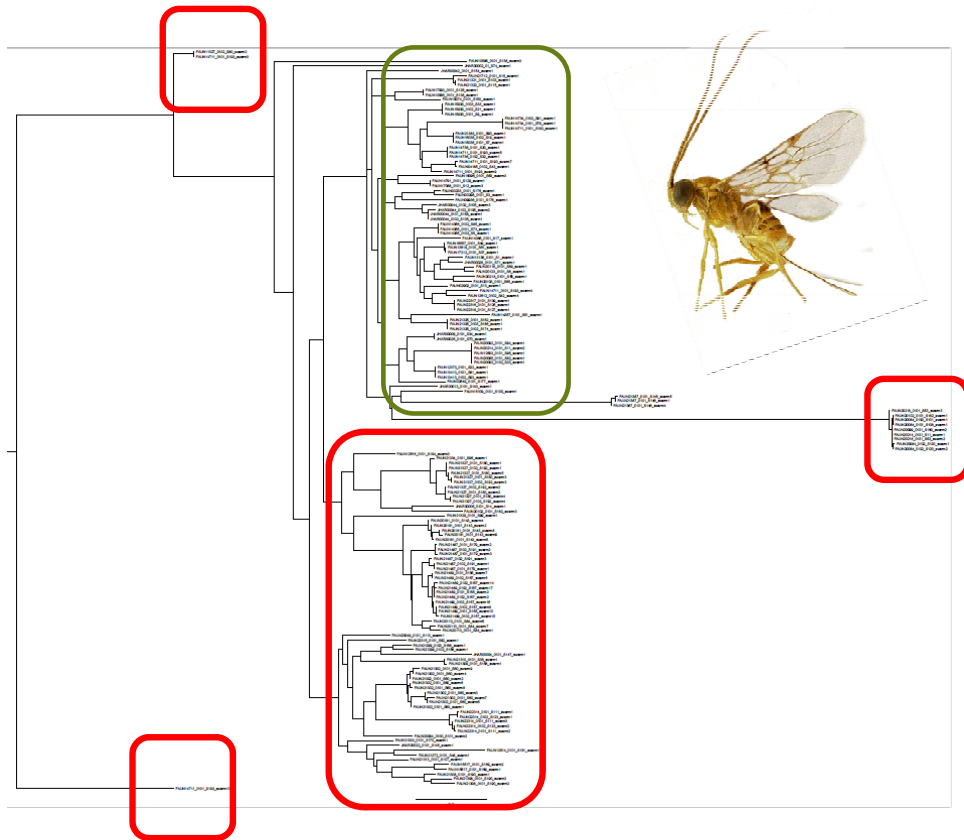
Contig complet pour  
**77 %** des espèces

**Env. 70 %** succès  
amplification pour  
chaque gène.

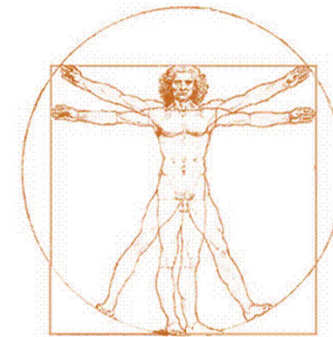
# 1- Barcoding



# 1- Barcoding



*Tyrophagus putrescentiae*



manipulateurs



*Trirhithrum coffeae*

Biological Control 122 (2018) 93–100

Contents lists available at ScienceDirect

**Biological Control**

journal homepage: [www.elsevier.com/locate/ybcon](http://www.elsevier.com/locate/ybcon)




Increasing the utility of barcode databases through high-throughput sequencing of amplicons from dried museum specimens, an example on parasitic hymenoptera (Braconidae)

Julien Haran<sup>a,\*</sup>, Gérard Delvare<sup>a</sup>, Jean-François Vayssières<sup>b</sup>, Laure Benoit<sup>a</sup>, Perrine Cruaud<sup>c</sup>, Jean-Yves Rasplus<sup>c</sup>, Astrid Cruaud<sup>c</sup>



# ***1- UCE - Phylogénomique***

## **Difficulté croissante d'accès aux échantillons**

- ressources accès terrain**
- contexte sécuritaire**
- réglementation (Nagoya)**
- « taxonomic impediment »**
- échéance projets**



# 1- UCE - Phylogénomique

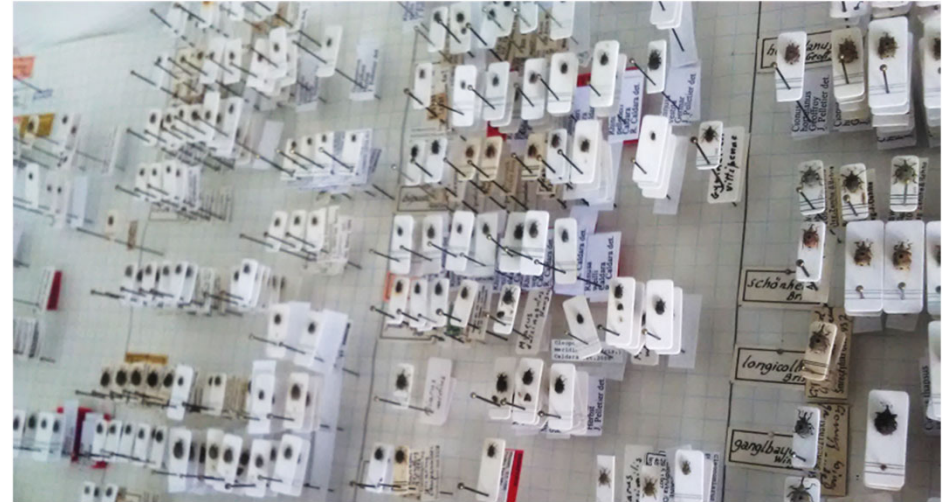
## Collection CBGP-CIRAD Pelletier-Péricart

- Coléoptères Curculionidae
- Spécimens de petite taille
- Séchage (?)
- 1983-2014

## Echantillonnage

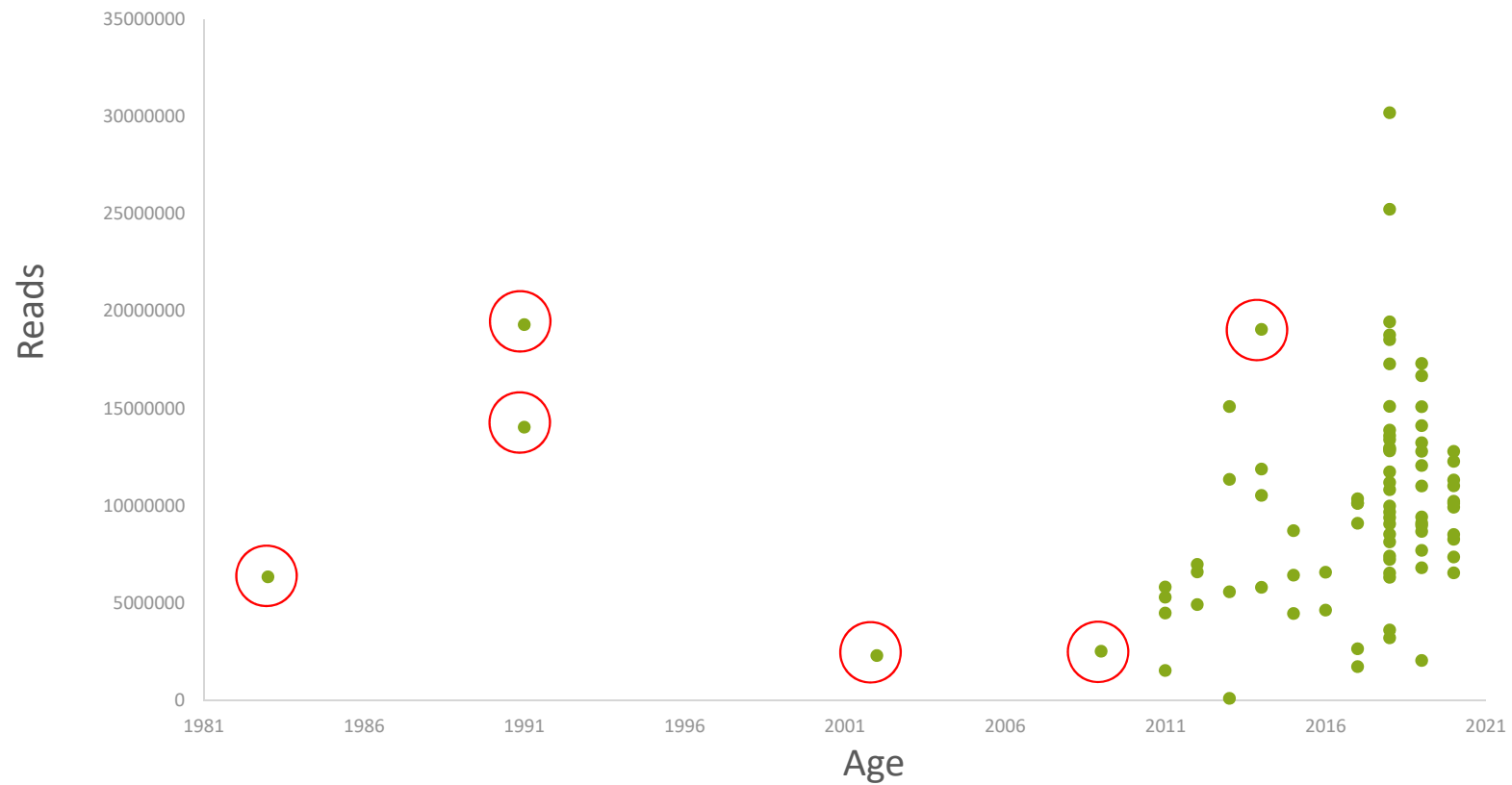
- 6 espèces & spécimens (total 96)
- Sondes UCEs (AHE probes)  
552 gènes codants  
(Shin *et al.* 2017)

Sequençage Hiseq



# 1- UCE - Phylogénomique

## Résultats préliminaires



**Merci pour votre attention**