



Mardi 16 mai 2017, 11:00

Salle de réunion

ÉTUDE DU RÔLE DU MICROBIOTE À PARTIR DE DONNÉES MÉTAGÉNOMIQUES *SHOTGUN*

par

Julie Réveillaud
INRA-ASTRE, Montpellier

🔍 Plus de 99 % des microorganismes n'ont pu être isolés jusqu'à présent. En particulier, les génomes symbiotiques ne peuvent être accessibles que par le séquençage de communautés complexes du fait de leur dépendance vis-à-vis de l'hôte.

🔍 L'évolution récente des capacités de séquençage et d'analyse permet désormais la reconstruction de génomes microbiens, indispensable à la compréhension fine de la diversité et de la fonction des microorganismes : ceux-ci forment l'unité génomique, fonctionnelle, écologique et évolutive permettant la description des systèmes microbiologiques. Par une approche 'génomique-centrée', nous avons reconstruit les génomes d'endosymbiontes de deux espèces vestimentifères *Escarpia* et *Lamellibrachia* de la fosse des Caïmans.

🔍 Cette étude, qui a permis de caractériser la diversité, les fonctions et voies métaboliques de ces nouvelles lignées de Gammaprotéobactéries sulfato-réductrices chimiosynthétiques, sera employée pour analyser les symbiontes de *Culex pipiens*, principal vecteur du virus du Nil Occidental (*West Nile virus*).